

Salmonella entérica serovar *Gallinarum*: temas importantes de bacteriología después de 60 años de utilización de la vacuna 9R. Revisión

Las nuevas aproximaciones son fundamentales y sirven de base para entender los aspectos biológicos relevantes de *Salmonella* tanto en aves como en mamíferos.

P Wigley, 2017. Avian Pathology. VOL. 46, N°. 2, 119–124
<http://dx.doi.org/10.1080/03079457.2016.1240866>

Han transcurrido sesenta años desde los relevantes trabajos de Smith en relación a las vacunas tifoideas para aves. Sin embargo, existe un creciente interés por la investigación en salmonelosis aviar y, en particular, por el uso de *Salmonella* entérica serovar *Gallinarum* como una herramienta para entender los puntos clave de la evolución de las bacterias y la adaptación al hospedador. En esta revisión, se resumen algunos de los avances más novedosos acerca de la salmonelosis aviar que incluyen el poder de analizar el genoma completo y los modelos de infección experimental como herramientas para entender la respuesta del hospedador. Estas nuevas aproximaciones son fundamentales y sirven de base para entender los aspectos biológicos relevantes de *Salmonella* tanto en aves como en mamíferos.

Salmonella enterica serovar *Gallinarum*: addressing fundamental questions in bacteriology sixty years on from the 9R vaccine. Review

The new approaches are underpinning a fundamental understanding of *Salmonella* biology relevant to both the chicken and other avian and mammalian species.

P Wigley, 2017. Avian Pathology. VOL. 46, N°. 2, 119–124

<http://dx.doi.org/10.1080/03079457.2016.1240866>

Sixty years on from Smith's seminal work on Fowl Typhoid vaccines, there is renewed interest in experimental avian salmonellosis and in particular the use of *Salmonella enterica* serovar *Gallinarum* as a tool to understand key features of bacterial evolution and host adaptation. In this short review we outline some of the recent advances in avian salmonellosis research that have coupled both the power of whole genome analysis and new tools to understand the host response to existing experimental infection models. These approaches are underpinning a fundamental understanding of *Salmonella* biology relevant to both the chicken and other avian and mammalian species.
